

## Japón publica pruebas irrefutables de que TODAS las variantes de COVID son creadas por el hombre

Hecho verificado

19 de diciembre de 2023 Sean Adl Tabatabai Noticias , Mundo 14 comentarios

**Un espectacular estudio oficial japonés concluyó que todas las variantes de COVID-19 fueron diseñadas en biolaboratorios y liberadas intencionalmente como parte de un plan de despoblación.**

El estudio, publicado por primera vez en agosto de 2023, realizado por los virólogos japoneses profesores Atsushi Tanaka y Takayuki Miyazawa de la Universidad Médica de Osaka y la Universidad de Kioto, confirma que la presión para mantener la COVID es parte de un complot de los globalistas para eliminar nuestras libertades y encarcelar a la humanidad.

**Thehighwire.com** informa: Es bien sabido que el Departamento de Energía de EE. UU., la CIA y el FBI ahora reconocen que existe la posibilidad de que el SARS-CoV-2 se haya **creado en un laboratorio** . Y ahora, como se transmitió en una discusión súper interesante del 15 de septiembre entre **Jefferey Jaxen** y Del Bigtree, la alucinante conclusión científica publicada por Tanaka y Miyazawa de que todas las variantes de COVID-19 se fabrican intencionalmente agrega un componente masivo al debate científico bastante técnico. que ha tardado en conseguir una investigación adecuada en un foro público porque se trata de una conversación tan especializada y colosal. Y no olvidemos que el tema está fuertemente censurado.

Aunque, en pocas **palabras** , es complicado determinar el orden de las mutaciones de la variante Omicron del SARS-CoV-2, en un **artículo de 25 páginas** titulado "La antinaturalidad en el proceso de evolución de las variantes del SARS-CoV-2 y la posibilidad de deliberada selección natural", Tanaka y Miyazawa rastrearon los orígenes de la variante estudiando secuencias virales encontradas "en la naturaleza" en todo el mundo y que habían sido depositadas en bases de datos públicas. Los investigadores explicaron que su estudio tenía como objetivo "aclarar los procesos evolutivos que conducen a la formación de variantes Omicron del SARS-CoV-2, centrándose en las variantes Omicron con muchas mutaciones de aminoácidos en la proteína de pico entre los aislados del SARS-CoV-2".

A medida que avanzaba su trabajo, descubrieron **aproximadamente** 100 subvariantes distintas de Omicron que posiblemente no podrían haber surgido de forma natural. La existencia de estas variantes y el orden sistemático en el que aparecieron proporcionan evidencia concluyente de la creación y liberación de virus COVID-19 en laboratorio a gran escala. Específicamente, para determinar el orden de las mutaciones que conducen a la formación de las variantes Omicron del SARS-CoV-2, Tanaka y Miyazawa compararon las secuencias de 129 aislados relacionados con Omicron BA.1, 141 aislados relacionados con BA.1.1 y 122 BA. 2, e intentó aclarar los procesos evolutivos de las variantes Omicron del SARS-CoV-2, incluido el

orden de las mutaciones que conducen a su formación y la aparición de recombinación homóloga. Sorprendidos por sus hallazgos, los científicos comentaron:

*“Como resultado, concluimos que la formación de parte de los aislados BA.1, BA.1.1 y BA.2 de Omicron no fue producto de la evolución del genoma, como se observa comúnmente en la naturaleza, como la acumulación de mutaciones y homólogos. recombinaciones. Además, el estudio de 35 aislados recombinantes de las variantes BA.1 y BA.2 de Omicron confirmó que las variantes de Omicron ya estaban presentes en 2020. El análisis mostró que las variantes de Omicron se formaron mediante un mecanismo completamente nuevo que no puede explicarse por la biología anterior, y Saber cómo se formaron las variantes del SARS-CoV-2 impulsa a reconsiderar la pandemia del SARS-CoV-2.*

*Estos resultados sugieren que el establecimiento de los aislamientos BA.1-0.1 y BA.1.1-0.1 se produjo de forma independiente. Por otro lado, si las mutaciones de reversión causaran que cada uno de estos aislamientos tuviera un aminoácido diferente al tipo de Wuhan, estos aislamientos podrían detectarse examinando un número astronómico de aislamientos. Sin embargo, estas cepas de virus se detectaron en el número de genomas completos secuenciados (un número limitado), en lugar de en números astronómicos examinados. El hecho de que la mayoría de estas mutaciones ocurrieran sin mutaciones sinónimas sugiere que ninguna de ellas surgió como resultado de mutaciones aleatorias de prueba y error en la naturaleza”.*

Las ramificaciones de este estudio son profundas y exigen atención inmediata. Como lo expresó tan acertadamente **el autor de Substack, Phillip Altman**, nunca ha habido un modelo de negocio tan perfectamente planificado y ejecutado como el SARS-CoV-2. Una vez liberado, hubo un encubrimiento gigantesco. **De hecho, “las agencias reguladoras de medicamentos de todo el mundo permitieron la liberación de inyecciones de nanopartículas lipídicas** de ARNm, peligrosas y poco investigadas, a las que llamaron incorrectamente 'vacunas'... una parte clave de la campaña de desinformación". Luego, cuando los bebés y las madres embarazadas se vieron obligados a recibir la vacuna, Altman compartió que lo que siguió fue una apropiación escandalosa y coordinada “de ríos de oro y poder que el mundo nunca había visto”. Sin duda, el nivel de lesiones y muertes por “vacunas” notificadas en diversos sistemas de notificación de eventos adversos de medicamentos en todo el mundo no tenía (y sigue teniendo) precedentes. Y la guinda del pastel para los maestros del plan: un flujo continuo de variantes llenaría los bolsillos del Estado profundo durante mucho tiempo en el futuro previsible.

Entonces, ¿quiénes son estos valientes investigadores de Japón que defienden con valentía a la sociedad en su conjunto y dicen con valentía la verdad a medida que se acerca la temporada electoral y persisten las conversaciones sobre el uso de mascarillas y más **inyecciones adicionales de COVID** ? El inmunólogo Atsushi Tanaka es profesor en el Centro de Investigación de la Frontera de la Inmunología de la Universidad de Osaka. Ha **publicado** más de 30 artículos académicos con casi 6.000 citas. Asimismo, el virólogo Takayuki Miyazawa, profesor de la Universidad de Kyoto, ha **publicado** casi 300 artículos académicos y su trabajo ha sido citado más de 7.000 veces. Ambos hombres destacan en sus campos y su trabajo no debe descartarse de plano. Si bien enfatizan la importancia de mantener este descubrimiento revelador en primer plano, la conclusión del estudio de los autores

merece cerrar este artículo. Con la predicción de más “alboroto por la corona” en el horizonte, declaran:

*“No obstante, el análisis que hemos mostrado aquí concluye que las variantes de Omicron se formaron mediante un mecanismo completamente nuevo que no puede explicarse por la biología anterior. El proceso de cómo se produjeron las mutaciones del SARS-CoV-2 debería impulsar una reconsideración de la pandemia del SARS-CoV-2. Si la cepa epidémica del SARS-CoV-2 es un virus mutado artificialmente y si el desastre del coronavirus fue un experimento global bien diseñado de inoculación humana y un experimento social, entonces el diseño de este experimento y la naturaleza del virus utilizados hacen probable que este experimento (corona alboroto) sea un experimento preliminar”.*